



- 1 -

# SEQUENCE LISTING

<110> Krupp Dr., Guido  
Scheinert, Peter  
Soeller Dr., Rainer  
Spengler Dr., Ulrich  
Artus Gesellschaft fuer molekularbiologische  
Diagnostik und Entwicklung mbH

<120> Method For the Species-Specific  
Detection of Organisms

<130> P-UX 5156

<140> US 10/031,530

<141> 1999-07-22

<150> PCT/EP99/05234

<151> 1999-07-22

<160> 11

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> 16S-5' terminal primer

<400> 1

agagtttgat cmtggctcag

20

<210> 2

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> 16S-3' terminal primer

<400> 2

tacggytacc ttgttacgac tt

22

<210> 3

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> 16S-proximal primer

<400> 3

aagtcgtaac aaggtarc

18

<210> 4

<211> 15

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> 23S-proximal primer

<400> 4

ggttbcccca ttcrg

15

<210> 5

<211> 17

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 109r1

<400> 5

acgygttack caccgt

17

<210> 6

<211> 17

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 109r2

<400> 6

akrcattact caccgt

17

<210> 7

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 685r1

<400> 7

tctacgratt tcaccyctac

20

<210> 8

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 685r2

<400> 8

tctacgcatt tcacygctac

20

<210> 9

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 685r3

<400> 9

tctrogcatt ycaccgctac

20

<210> 10

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 1475rs

<400> 10

cccaccttcg acggctag

18

<210> 11

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Sequencing primer 1475rh

<400> 11

cataccgtgg taaacgcc

18